

# R-Objekte:

## Vektoren:

**Erstellung:** `V <- c(1, 2, 4, 5, 6)`

**Indizierung:** `V[3]`

**Struktur:** `str(V)`

## Matrizen:

**Erstellung:** `M <- matrix(c(1,2,3,4,5,6), ncol = 3, byrow = TRUE)`

**Indizierung:** `M[2,3]` „Zeilen zuerst, Spalten später“

**Struktur:** `str(M)`

## Listen:

**Erstellung:** `L <- list( var1= c(1,2), var2 = c(„a“, „b“), var3 = c(„w“, „m“, „w“, „m“, „w“))`

**Indizierung:** `L[2]` `L[[2]]` `L[[2]][3]`

**Struktur:** `str(L)`

## Data-Frame:

**Erstellung:** `Var1 <- c(1,2,3)` `Var2 <- c(„a“, „b“, „c“)` `D <- data.frame(Var1, Var2)`

**Indizierung:** `D$Var1` `D[1,2]` „Zeilen zuerst, Spalten später“

**Struktur:** `str(D)`

## **R-Befehle:**

`read.delim`(Dateiname, header = TRUE, sep = "\t")

`View`(Datensatz)

`summary`(Datensatz)

`table`(Datensatz\$Variable1, Datensatz\$Vairable2)

`subset`(Datensatz, Zeilen, Spalten)

`names`(Datensatz)

`unique`(Datensatz\$Variable)

`order`(Datensatz\$Variable)

`rm`(Objekt)

`ifelse`(Bedingung, ja, nein)

`boxplot`(Datensatz\$Variable)

`quantile`(Datensatz\$Variable, quantile, na.rm = TRUE)

`tapply`(Datensatz\$Zielvariable, Datensatz\$Gruppierungsvariable, Funktion, na.rm = TRUE)

`unlist`(Liste)

`matrix`(Vektor, ncol = Anzahl Zeilen, byrow = TRUE)

`as.data.frame`(Matrix)

`is.na`(Datensatz\$Variable)

`merge`(Datensatz1, Datensatz2)

`median`(Datensatz\$Variable) – `mean`(Datensatz\$Variable) – `var`(Datensatz\$Variable)

`aggregate`(Datensatz, Zielvariable ~ Var1 + Var2 + Var3, Funktion)

`ezANOVA`(Daten, Abh. Var, Personen-Var, Within-Subject-Var, Between-Subject-Var)

`ezPlot`(Daten, Abh. Var, Personen-Var, Within-Subject-Var, Between-Subject-Var, x, split)

`save`(Objekt, file="Name.RDATA")

`load`(file="Name.RDATA")